




# 安心の国内ラボ受託解析 illumina NovaSeq

## HiSeq 4000/X 乗換キャンペーン

### プレランチェックで相乗りも安心

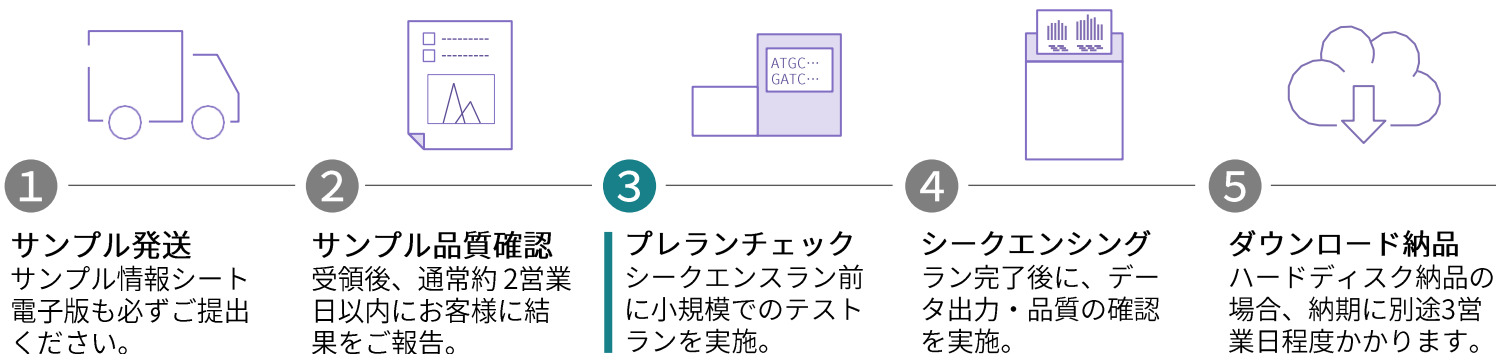
プロモーションコード：NovaShared23JP  
キャンペーン有効期限：2023/9/1-2023/12/29のサンプル提出分

### キャンペーン特価

 <b>100 Gb単位</b> (3.3億PEリード相当)	<del>税込187,000円</del> →	<b>144,500円</b> (税込158,950円)
 <b>6 Gb単位</b> (2,000万PEリード相当)	<del>税込16,500円</del> →	<b>12,000円</b> (税込13,200円)
 <b>レーン専有</b> ~750 Gb (~25億PEリード相当)	<del>税込883,500円</del> →	<b>739,000円</b> (税込812,900円)

- \* ラン仕様：NovaSeq 6000 S4 フローセル・150 bp ペアエンド・8 bp デュアルインデックス
- \* マルチプレックスライブラリの相乗りランの場合、インデックスあたり6 Gb以上、1 Gb単位で指定可能。
- \* データ量は、ライブラリの特性に影響されるため、目安となり、保証はいたしかねます。
- \* サンプル提出ガイドライン、ご利用時の諸注意事項は、裏面をご参照ください。

### サービス概要



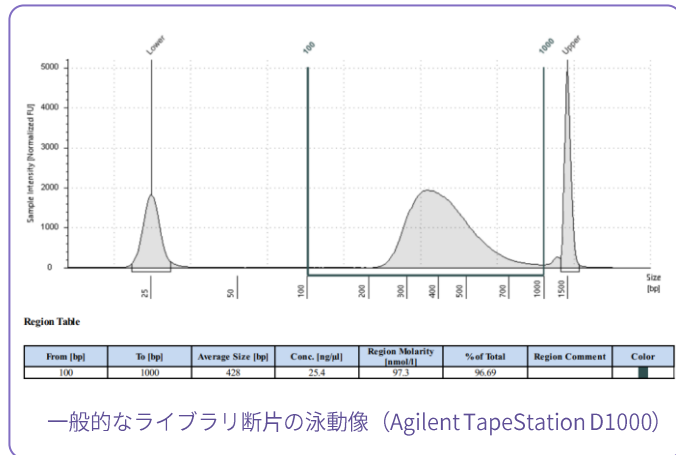
### プレランチェックとは？

小規模での試験ランを事前に行い、デマルチプレックス結果・データ出力を確認します。これによりインデックス配列を検証、またライブラリプール量の補正を行います。インデックス競合によるライブラリ間の混入を最大限予防、ライブラリの特性によるデータ量のばらつきを軽減、相乗りシーケンシングをより安心してご利用いただくためのサービスです。



## 調製済みライブラリの提出ガイドライン

- illumina 準拠のライブラリ
- **濃度 >15 nM, 溶液量 >15  $\mu$ l**  
(ライブラリ平均長400 bpの場合、15 nM = 4 ng/ $\mu$ l)
- ライブラリの**断片長の主な分布範囲 300-600 bp**
- 未反応のアダプターやアダプターダイマー、プライマーダイマー、マグネットビーズが残存していないこと。
- DNase/RNase-freeの水あるいは10 mM Tris-HCl (pH 8.5) に懸濁 (EDTAを含まないこと)。
- 8 bpまでのシングル・デュアルインデックス (9 bp以上の場合、8 bpのみを取得)。デュアルインデックスを推奨。
- マルチプレックスライブラリの**相乗りランでは、インデックスあたり6 Gb以上、1 Gb単位で指定可能です。**
- サンプルインデックス情報ご提出の際、**i5 インデックスは Forward配列をご入力**ください。



## その他諸注意事項

- マルチプレックスライブラリで、あらかじめプールしてご提出の場合、ライブラリ品質確認費用としてプールあたり税込6,380円、プールしないで個別にご提出の場合、ライブラリごとに税込6,380円がかかります。
- 納品料金として、sFTP：税込5,830円あるいはハードディスク：税込13,860円が別途かかります（データ量に応じ、追加料金あり）。国内送料は無料。
- 納期の目安は、ライブラリの品質確認後、相乗りの場合：25-30営業日、レーン専有の場合：20-25営業日。営業日は、土日祝日を除く、営業日数です。ハードディスク納品ご希望の場合は、別途3営業日程度がかかります。
- ガイドラインに満たないライブラリ、カスタムライブラリなど、他のサンプルに影響するリスクがある場合、相乗りでのご利用をお断りする場合があります。また、追加で納期をいただく場合がございます。
- 調製済みライブラリでは、データ量・品質はライブラリの特性に影響されるため、データ出力は目安となります。プレランチェックによりインプット量の補正を行いますが、データ量・品質を保証するものではありません。
- 納期やランのスケジュール上、プレランチェックの実施が困難な場合には、qPCRによる定量等で代用させていただく場合がございます。また、**プール済みライブラリでレーン専有の場合はプレランチェック対象外**となります。

## ご存じですか？ illumina HiSeq 4000/X のご提供は終了になります

ご好評いただいておりますillumina HiSeqシリーズのレーン専有シークエンシングは、illuminaからの試薬販売の終了に伴い、2023年12月にサービス提供が終了となる見込みです。

ジーンウィズでは、これに代わるサービスとして、安心の国内ラボで、NovaSeqの相乗りラン100 Gb単位をお得な価格でご提供します。また、相乗りで心配される、インデックスの間違えによるライブラリ間の混入やデータ量のばらつきを最小限に抑えるべく、原則プレランチェックを行ったうえでシークエンシングを行います。ぜひこの機会にご利用をご検討ください。お見積り依頼、技術相談など、お気軽にどうぞ。

## 核酸抽出・各種ライブラリ調製・データ解析も承ります



細胞・凍結組織・FFPE・唾液・糞便等、多様なサンプルから目的に応じ、適切にDNA/RNA抽出を行います。



遺伝子発現・ゲノム・エピジェネティクス・メタゲノム・シングルセル解析などのライブラリ調製も承っております。



遺伝子発現・ゲノム解析等のアプリケーションのデータ解析から、RNA-Seq + ATACなど、マルチオミクスアプローチの解析にもご対応します。

©2023 Azenta Life Sciences, Inc. 本サービスは研究用のみに使用できます。診断目的に使用することはできません。GENEWIZ (ジーンウィズ) は、マルチオミクス受託サービスを提供する、Azenta Life Sciences (アゼンタ株式会社) のブランドです。当印刷物に記載されている会社名および商品名などは、各社の商標または登録商標です。本印刷物記載の内容は2023年8月現在のものです。



アゼンタ株式会社 (旧社名 日本ジーンウィズ株式会社)  
〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号 NFパークビルディング 4F  
電話：03-6628-2950 FAX：03-6628-2951 メール：sales.japan@azenta.com  
ウェブ：https://www.genewiz.com/ja-JP

代理店・取扱店記入欄